

猪线粒体DNA多态性与中国地方猪种起源分化的关系

黄勇富^{1, 2}, 张亚平¹, 邱祥聘², 曾凡同², 肖永祚²

1.中国科学院昆明动物研究所细胞与分子进化开放研究实验室;昆明 650223; 2.四川农业大学动物科学技术学院;雅安 625014

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 用24种限制性内切酶分析了我国21个具代表性地方猪品种、1个引进品种和2个来自中国和越南的野生近缘种mtDNA的RFLP。结果表明:在74个个体中检出的32种限制性态型可归结成7种单倍型,其间的差异主要来源于少数几个限制性位点的突变;地方猪种4种单倍型间的平均遗传距离0.143%,遗传多态程度(π 值)仅为0.007%,说明遗传多样性非常贫乏,提示中国地方猪种可能起源于一个野猪亚种。

关键词 [猪](#) [线粒体DNA](#) [限制性内切酶](#) [遗传分化](#)

分类号

Abstract

Key words

DOI:

通讯作者

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(646KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [复制索引](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

- ▶ [本刊中 包含“猪”的 相关文章](#)
- ▶ 本文作者相关文章

- [黄勇富](#)
-
- [张亚平](#)
- [邱祥聘](#)
- [曾凡同](#)
- [肖永祚](#)