

## 常用实验用近交系小鼠线粒体DNA遗传变异的分析

戴纪刚<sup>1</sup>, 魏泓<sup>2</sup>, 肖颖彬<sup>1</sup>

1. 第三军医大学新桥医院胸外科; 重庆 400037; 2. 第三军医大学实验动物中心; 重庆 400038

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

**摘要** 应用PCR-RFLP和PCR-SSCP技术, 研究分析了国内常用的实验用近交系小鼠线粒体DNA (mtDNA) 的品种间遗传变异。PCR-RFLP分析发现, 小鼠mtDNA的D-loop、tRNAMet+Glu+Ile及ND3基因核酸序列, 在46个限制性内切酶酶切位点上均无差异; 用PCR-SSCP分析方法对这些小鼠mtDNA的高变异区D-loop 的5' 及3' 端作进一步分析, 亦未发现品种间遗传变异。结合mtDNA具有的母系遗传方式的特点, 这一结果提示: 常用的实验用近交系小鼠形成中可能只有1种雌性血统起了作用。

**关键词** [近交系小鼠](#) [线粒体DNA](#) [PCR-RFLP](#) [PCR-SSCP](#) [多态性](#)

分类号

### Abstract

### Key words

DOI:

通讯作者

### 扩展功能

#### 本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(303KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献](#)

#### 服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [复制索引](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

#### 相关信息

- ▶ 本刊中 [包含“近交系小鼠”的相关文章](#)
- ▶ 本文作者相关文章

- [戴纪刚](#)
- [魏泓](#)
- [肖颖彬](#)