

# 扬子鳄饲养种群线粒体DNA控制区的序列多态性

王义权<sup>1, 2</sup>, 朱伟铨<sup>2</sup>, 王朝林<sup>3</sup>

1. 厦门大学生命科学学院; 厦门 361005; 2. 南京师范大学生命科学学院 遗传资源研究所; 南京 210097; 3. 安徽省扬子鳄繁殖研究中心; 宣州 242034

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

**摘要** 扬子鳄 (*Alligator sinensis*) 是中国特有的珍稀爬行动物, 至2000年, 野生扬子鳄的个体数已不足150条, 作为保护这一物种的措施之一, 先后于80年代初建起了2个养殖场, 现人工繁殖的扬子鳄总数已达9000余条。为揭示扬子鳄种群遗传多样性, 从两个饲养种群中采集了42个个体的样品, 其中宣州样品33个 (XZSP), 长兴样品9个 (CXSP), 用PCR方法扩增mtDNA控制区, 扩增产物纯化后直接用ABI310全自动遗传分析仪荧光标记测序, 得到其中39个个体的mtDNA控制区5' 端462 bp的序列。经比对发现, 39个个体间的5' 端mtDNA控制区没有任何变异位点, 共享一种单元型, 提示扬子鳄饲养种群的遗传多样性非常贫乏, 造成这一结果的主要原因是近50年来, 扬子鳄种群衰退和数量迅速减少导致的遗传多样性丢失, 其次是人工繁殖的群体同时受到始创者数量较少产生的瓶颈效应影响。针对扬子鳄遗传多样性的现状, 作者最后就这一濒危动物遗传多样性的保护对策提出3点建议。

**关键词** [扬子鳄](#) [DNA序列](#) [线粒体DNA控制区](#) [遗传多样性](#)

分类号

## 扩展功能

### 本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(257KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献](#)

### 服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [复制索引](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

### 相关信息

- ▶ [本刊中 包含“扬子鳄”的相关文章](#)
- ▶ [本文作者相关文章](#)

- [王义权](#)
- [朱伟铨](#)
- [王朝林](#)

## Abstract

## Key words

DOI:

通讯作者