

分析探讨

大豆蛋白质纤维的结构研究(II):聚集态结构

姜岩^{1,3},王宝东²,王业宏³,李军⁴,欧力⁵

1.安徽工程科技学院 安徽芜湖241000; 2.温州职业技术学院 浙江温州325027; 3.东华大学纺织学院 上海200051; 4.长春工业大学 吉林长春130012; 5.温州大学 浙江温州325035

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 对大豆蛋白质纤维 (PVA-SPF)的聚集态结构进行了研究,认为聚乙烯大分子呈平面锯齿形构象,而大豆蛋白大分子在纺丝前的处理过程中已经变性,由 α -螺旋转变为直线形的 β -链构象,并共同砌入纤维;由于二组分大分子均带有较多的极性基团,在大分子之间可能形成多种键合,同时PVA-SPF成纤后进行的缩醛化处理在二组分大分子之间形成了化学交联,故而可以认为PVA-SPF的聚集态结构是以直链形大分子网状结构为主体的聚集态结构。X-射线衍射图表明,PVA-SPF大分子的结晶能力较弱,二维空间排列有序的向列结晶能力较强。

关键词 [大豆蛋白质纤维](#) [聚集态](#) [结晶](#) [结构](#)

分类号

DOI:

通讯作者:

作者个人主页: 姜岩^{1,3}; 王宝东²; 王业宏³; 李军⁴; 欧力⁵

扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF\(125KB\)](#)

▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)

▶ [参考文献\[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

相关信息

▶ [本刊中 包含“大豆蛋白质纤维”的相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

· [姜岩](#)

·

· [王宝东](#)

· [王业宏](#)

· [李军](#)

· [欧力](#)