



主办：  
中国烟草学会

中国烟草学报  
ACTA TABACARIA SINICA

ISSN 1004-5  
CN 11-2985

## 部分烟草核心种质RAPD分析

王志德 牟建民 戴培刚 王伟峰 蒋予恩

本研究对24个不同类型烟草核心种质进行了RAPD标记。通过43个RAPD引物PCR扩增的214个分子量不同的DNA片段，标记出24个烟草核心种质的指纹图谱，表现了高度的遗传多样性。通过聚类分析，将24个种质分为6大聚类群。类群I包含11个种质，其中烤烟5个，晒烟3个，白肋烟2个，雪茄烟1个；类群II包含9个种质，其中烤烟2个，晒烟2个，白肋烟2个，香料烟2个，马里兰烟1个；类群III、V，分别包含晒烟、黄花烟各1个；IV、VI为2个野生种。各类群遗传差异由大到小顺序为VI>V>IV>III>I。种质间的遗传差异并不完全取决于栽培类型间的差异，而与种质间演化关系有关，野生种与栽培种间存在较大的遗传差异。

**关键词：**烟草 RAPD 遗传多样性

**中图分类号：**S572.02 **文献标识码：**A **文章编号：**1004-5708(2003)04-0020-06

王志德，男，大学，中国烟草总公司青州烟草研究所，青州，262500

牟建民，戴培刚，王伟峰，蒋予恩，通讯地址同第一作者

本研究由国家烟草专卖局资助

收稿日期：2002-05-07