

作物遗传育种·种质资源

利用ISSR标记分析烟草种质的遗传多样性

[肖炳光](#) [杨本超](#)

(中国烟草育种研究(南方)中心, 云南省烟草科学研究所)

摘要 【目的】分析烟草种质的遗传多样性水平, 揭示不同烟草类型间的遗传关系, 为充分发掘、利用种质提供依据。【方法】对包括不同烟草类型的119份种质进行了ISSR分析, 估算其遗传相似系数, 利用UPGMA法作聚类图。【结果】利用21个ISSR引物共扩增出672条带, 全部为多态性带, 其中116条为普通烟草特有带。普通烟草种质间的遗传相似系数变化范围为0.779~0.945, 其中烤烟种质间遗传相似系数变化范围在0.812~0.933之间; 不同烟草类型基本可聚为相应的亚类或小类, 引进烤烟品种与国内品种并未聚为各自类别。普通烟草与其它烟草种间遗传相似系数较小; 普通烟草与其假定祖先种*N. sylvestris*聚为一类, 同为碧冬烟草亚属花烟草组的*N. longiflora*和*N. plumbaginifolia*聚为一类, 聚类结果与种间遗传分化吻合。【结论】中国现有烤烟种质遗传多样性水平较低; 为拓宽烤烟育成品种的遗传基础, 应充分发掘野生烟草的遗传潜力。

关键词 [烟草](#) [ISSR](#) [遗传多样性](#) [聚类分析](#)

收稿日期 2006-8-29 修回日期 2006-12-20

通讯作者

DOI

分类号

相关文章(烟草):

[杏品种的需寒量与抗寒性的相关研究](#)

[CO₂浓度、氮和土壤水分对春小麦养分利用效率的影响](#)

[蛋白质凝胶电泳技术在作物品种鉴定中的应用](#)

[转病毒移动蛋白及复制酶基因烟草的共生和重组风险分析](#)

[转NDR1基因烟草对赤星病和晚疫病的抗性增强](#)

[\[PDF全文\]](#)

[\[HTML全文\]](#)

[发表评论](#)

[查看评论](#)