

【作者】	葛艳丽, 慈海鑫, 唐利洲, 林恭华, 苏建平
【单位】	中国科学院高原生物适应与进化重点实验室, 中国科学院西北高原生物研究所, 青海西宁
【卷号】	36
【发表年份】	2008
【发表刊期】	33
【发表页码】	14422 - 14424, 14430
【关键字】	高原鼠兔; ISSR; 优化PCR
【摘要】	<p>[目的] 筛选和优化高原鼠兔 (<i>Ochotona curzoniae</i>) 适宜的ISSR 反应体系, 以在对高原鼠兔进行ISSR 分析时获得清晰和多态性好的扩增结果。[方法] 以高原鼠兔基因组DNA 为模板, 通过单因素试验, 对体系中的模板浓度、Mg<sup>2+</sup> 浓度、dNTPs 浓度、Taq 酶用量、引物用量、退火温度进行探讨。[结果] 结果表明, 高原鼠兔ISSR- PCR 扩增的最佳条件为: 25 μl PCR 反应体系, 其中4 μl DNA 模板, 1.5 mmol/L MgCl<sub>2</sub>, 0.2 mmol/L dNTPs, 1.25 U Taq 聚合酶, 1.5 μmol/L 引物, 复性温度45-60 °C (退火温度随引物不同而确定)。用11 条引物进行了PCR 扩增, 筛选出效果较好的6 条引物。[结论] 该反应体系的建立为鼠兔遗传多样性和分子系统学研究提供技术支持。</p>
【附件】	 <a href="#">PDF下载</a> <a href="#">PDF阅读器下载</a>

关闭