

不同来源SSR标记在我国披碱草属植物的通用性和效率评价

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 SSR引物序列常用于近缘物种的遗传学研究,但存在很大的盲目性和分析结果的不可预见性。本研究采用我国9种披碱草属植物,利用不同来源微卫星引物进行遗传学分析,结果显示,披碱草属的6个和小麦的5个微卫星引物在我国9种披碱草属植物具有稳定的扩增效果和较好的遗传学分析功能;相对而言,位点E C G A 2 2、E C G A 1 1 4、E A G A 5 1和W M S 4 3遗传信息含量较高,对构建披碱草属植物高密度的微卫星种(品种)指纹是很好的选择;披碱草属植物的引物所检测到的等位基因数目与测序开发引物时预期的等位基因数目相差较少、遗传多样性指数较高和更接近研究材料的基因流,预示着亲缘关系更近的引物遗传分析的效率更高。

关键词 [SSR](#); [披碱草属](#); [遗传](#); [通用性](#); [效率](#)

分类号

DOI:

通讯作者:

作者个人主页:

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF](#) (580KB)
- ▶ [\[HTML全文\]](#) (0KB)
- ▶ [参考文献\[PDF\]](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [引用本文](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

- ▶ [本刊中 包含“SSR; 披碱草属; 遗传; 通用性; 效率”的 相关文章](#)
- ▶ [本文作者相关文章](#)