

【作者】	黎海利, 董丽, 谭飞理
【单位】	北京林业大学国家花卉工程研究中心, 北京
【卷号】	36
【发表年份】	2008
【发表刊期】	12
【发表页码】	4884 - 4885
【关键字】	萱草;ISSR; 最佳反应体系
【摘要】	<p>[目的] 为利用ISSR 标记研究萱草的遗传多样性和和辅助育种奠定基础。[方法] 从萱草中提取基因组DNA, 建立萱草的ISSRPCR 反应体系, 并通过正交试验对其进行优化。[结果] 萱草的最佳ISSR-PCR 反应体系为: ddH₂O 16.8 μl、2.5 mmol/L dNTP 2.0 μl、10 × buffer 2.5 μl、10 μmol/L primer 0.3 μl、50 ng/L DNA 3 μl、Taq 酶 1 U, 总体积 25 μl。萱草的最佳ISSR 扩增反应程序为: 94 °C 变性 5 min, 94 °C 变性 45 s、48.3 °C 退火 1 min、72 °C 延伸 2 min, 共 38 个循环, 最后 72 °C 延伸 7 min。该反应程序下进行的ISSR 扩增, 扩增产物最多, 银染的效果最好。[结论] 该研究建立了萱草ISSR-PCR 的最佳反应体系和反应程序, 通过ISSR 扩增可获得清晰、稳定的条带。</p>
【附件】	 PDF下载 PDF阅读器下载

关闭