

【作者】	郭爱玲, 侯家奎, 万鹏, 栗婉媛, 吕均, 秦巧玲, 马美湖
【单位】	华中农业大学食品科技学院, 湖北武汉
【卷号】	36
【发表年份】	2008
【发表刊期】	11
【发表页码】	4455-4456, 4469
【关键字】	志贺氏菌; 地方菌株; RAPD 扩增; 聚类分析
【摘要】	<p>[目的]为志贺氏菌食源性疾病的流行病学溯源和疫情控制提供理论依据。 [方法]利用5个随机引物对4种不同来源的志贺氏菌进行RAPD扩增, 并对得到的扩增图谱进行聚类分析。[结果]5个随机引物中, 引物S3、S5表现出较好的多态性。在引物S5的扩增图谱中, 志贺氏菌属中各菌均有1条600 bp左右和1条1 000 bp左右的共同谱带, 而利用该引物扩增其他属细菌, 扩增谱带很少或没有。这说明引物S5对志贺氏菌属细菌是特异性的。根据引物5的聚类分析结果, 可将8株志贺氏菌分成4个类群。除宋内氏志贺氏菌外, 其他3种6株菌间的相似系数均为1.00, 与传统的血清型分型结果完全一致。[结论]采用引物S5的RAPD反应可用于志贺氏菌的快速检测。</p>
【附件】	 PDF下载 PDF阅读器下载

关闭