

【作者】	陈玉玺, 张利平, 吕志堂
【单位】	河北大学生命科学学院, 河北保定
【卷号】	36
【发表年份】	2008
【发表刊期】	12
【发表页码】	4886 - 4887
【关键字】	镰刀菌; ITS; 系统发育分析
【摘要】	<p>[目的] 探索镰刀菌菌株间的系统发育关系。[方法] 采用氯化苄法从分离的10株镰刀菌菌株中提取基因组DNA, 对其内转录间隔区(ITS) 序列进行PCR 扩增和序列测定。采用Blast 方法将测序结果在GenBank 中进行同源搜索, 采用邻接法构建其与相关菌株的ITS 序列系统发育树。[结果] 供试菌株分别位于系统发育树的3个分支上, 7株与腐皮镰刀菌为一个分支, 序列相似性为98.61%~100%。菌株F94与尖孢镰刀菌为另一个分支, 序列相似性为100%。菌株F83和F97与<i>Fusarium incarnatum</i> 为另一个分支。各分枝内序列相似性均较高, 为97.61%~100%, 而不同分枝间菌株序列相似性较低。[结论] ITS 序列系统发育分析可为镰刀菌属种的鉴定提供参考依据。</p>
【附件】	 PDF下载 <input type="button" value="PDF阅读器下载"/>

关闭