

作物遗传育种·种质资源

QTL作图主要统计方法及主要作图群体

林 谦¹,毛孝强²,杨 德³,张雪梅²

1. 云南农业大学基础与信息工程学院, 云南 昆明 650201;
2. 云南农业大学农学与生物技术学院, 云南 昆明 650201;
3. 云南农业大学园林园艺学院, 云南 昆明 650201)

收稿日期 2003-5-7 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 系统而简要的介绍了数量性状基因位点作图(QTL作图)及其主要方法、计算机软件及相应作图群体等。QTL作图的主要统计分析方法有采用t-检验、方差分析、回归分析等方法的单标记分析方法,基于两个侧连标记的区间作图法和复合区间作图法,以及近几年由KAO 和ZENG利用Cockerham模型发展起来的多重区间作图法等。分别介绍了QTL作图的主要作图群体如回交, F_2 ,DH,RIL等,并对这几种作图群体进行了比较。

关键词 [QTL作图](#) [统计分析方法](#) [作图群体](#)

分类号 [Q 348](#)

DOI:

通讯作者:

作者个人主页: [林 谦¹](#); [毛孝强²](#); [杨 德³](#); [张雪梅²](#)

扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDE\(1017KB\)](#)

▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)

▶ [参考文献\[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ [本刊中 包含“QTL作图”的 相关文章](#)

▶ [本文作者相关文章](#)

· [林 谦](#)

· [毛孝强](#)

· [杨 德](#)

· [张雪梅](#)