

请输入搜索关键词.....

[网站首页](#)[学院概况](#)[师资队伍](#)[人才培养](#)[科学研究](#)[党群工作](#)[学生工作](#)[合作交流](#)[招生就业](#)**教授**

当前位置：首页 &gt; 师资队伍 &gt; 教授

院士

[教师名录](#)[教研室](#)[宏观农业研究院](#)**陈伟**

发布时间：2017-02-22

**基本信息**

姓名: 陈伟  
性别: 男  
民族: 汉  
职称: 教授  
学位: 理学博士

出生年月: 1987.06  
硕/博导: 博导  
开设课程:  
研究方向: 作物代谢组学, 麦类作物代谢遗传改良

**联系方式**

办公电话: 18995611853  
电子邮件: chenwei0609@mail.hzau.edu.cn  
实验室地点: 基因楼512室

**个人简介****教育与工作简历**

2017.05 - 至今, 华中农业大学, 植物科学技术学院, 教授, 博士生导师;  
 2015.07 - 2017.04, 华中农业大学, 植物科学技术学院, 博士后;  
 2010.09 - 2015.06, 华中农业大学, 生命科学技术学院, 生物化学与分子生物学, 理学博士;  
 2006.09 - 2010.06, 华中农业大学, 生命科学技术学院, 应用生物技术基地班, 理学学士。

代谢组学是继基因组学、转录组学、蛋白质组学后系统生物学的另一重要研究领域, 是功能基因组学研究的有力工具。代谢产物在植物抗逆、人类营养和医疗保健等方面发挥重要作用。

本课题组长期与本校生科院罗杰教授研究团队合作并致力于重要粮食作物代谢组学研究, 主要包括代谢数据库的建立, 性状位点 (mQTL) 定位和代谢物的全基因组关联分析 (mGWAS) 研究, 以及代谢相关基因的克隆和生物学功能的验证。希望通过代谢组学的方法和手段为基因组学提供新的思路和生化线索, 从而促进人们对重要粮食作物代谢过程的深入研究。推动水稻、玉米、麦类作物及其他作物的遗传改良尤其是营养品质的改良。近年来, 相关研究成果分别发表于 *Nature Communications*, *PNAS*, *Plant Cell* 等杂志。

热诚欢迎有志从事代谢组学研究的学生报考本实验室硕士、博士。

同时, 本实验室招聘博士后, 师资博士后若干名。有意者请将个人 CV 和代表性科研成果 chenwei0609@mail.hzau.edu.cn。

**科研项目**

华中农业大学科研启动经费 (2017 - 2021)。

“973计划”项目——水稻和玉米等作物代谢谱数据库的建立和利用 (参与, 2013-2017) ;

**发明专利及获奖情况**

1. 2017年省级优秀博士学位论文;
2. 2015年吴瑞杰出生命科学奖;
3. 2015年华中农业大学三好研究生标兵;
4. 2013年博士生国家奖学金;
5. 2011年华中农业大学三好研究生;
6. 罗杰, 陈伟, 龚亮, 李东。一种利用LC-MS/MS高效鉴别植物次生代谢产物的方法。专利号: ZL 2010 1 0562426. 8

**发表的论文及著作**

1. Chen W<sup>#</sup>, Gao Y<sup>#</sup>, Xie W<sup>#</sup>, Gong L<sup>#</sup>, Lu K<sup>#</sup>, Wang W, Li Y, Liu X, Zhang H, Dong H, Zhang W, Zhang L, Y Lian X<sup>\*</sup>, Luo J<sup>\*</sup>. Genome-wide association analyses provide genetic and biochemical insights into natural rice metabolism. *Nat Genet*, 2014, 46, 714-721. (IF: 29.3)
2. Chen W<sup>#</sup>, Wang W<sup>#</sup>, Peng M<sup>#</sup>, Gong L, Gao Y, Wan J, Wang S, Shi L, Zhou B, Li Z, Peng X, Yang C, Qu L, Comparative and parallel genome-wide association studies for metabolic and agronomic traits in *Commun*, 2016, 7, 12767. (IF: 11.3)
3. Chen W, Gong L, Guo Z, Wang W, Zhang H, Liu X, Yu S, Xiong L, Luo J<sup>\*</sup>. A novel integrated method for detection, identification, and quantification of widely targeted metabolites: application in the study of metabolomics. *Mol Plant*, 2013, 6, 1769-1780. (IF: 6.6)
4. Gong L<sup>#</sup>, Chen W<sup>#</sup>, Gao Y<sup>#</sup>, Liu X, Zhang H, Xu C, Yu S, Zhang Q<sup>\*</sup>, Luo J<sup>\*</sup>. Genetic analysis of the exemplified using a rice population. *Proc Natl Acad Sci USA*, 2013, 110, 20320-20325. (IF: 9.8)
5. Peng M<sup>#</sup>, Gao Y<sup>#</sup>, Chen W<sup>#</sup>, Wang W, Shen S, Shi J, Wang C, Zhang Y, Zou L, Wang S, Wan J, Liu X, Guo L<sup>\*</sup>. Evolutionarily Distinct BAHD N-Acyltransferases Are Responsible for Natural Variation of Aromatic Amines in Rice. *Plant Cell*, 2016, 28, 1533-1550. (IF: 8.5)
6. Wen W<sup>#</sup>, Li D<sup>#</sup>, Li X, Gao Y, Li W, Li H, Jie Liu, Liu H, Chen W, Luo J<sup>\*</sup>, Yan J<sup>\*</sup>. Metabolome-based genome-wide association study of maize kernel leads to novel biochemical insights. *Nat Commun*, 2014, 5, 3438-3447. (IF: 14.0)
7. Fang C, Zhang H, Wan J, Wu Y, Li K, Jin C, Chen W, Wang S, Wang W, Zhang H, Zhang P, Zhang F, Qu L, Luo J<sup>\*</sup>. Control of leaf senescence by a MeOH-Jasmonates cascade that is epigenetically regulated by OsFLR1. *Mol Plant*, 2016, 9, 1366-1378. (IF: 7.1)
8. Huang X<sup>#</sup>, Lu Z<sup>#</sup>, Wang X<sup>#</sup>, Ouyang Y, Chen W, Xie K, Wang D, Luo M, Luo J, Yao J<sup>\*</sup>. Imprinted gene OsFLR1 influences rice seed development by influencing nutrient metabolism and modifying genome H3K27me3. *Plant J*, 2016, 81, 317. (IF: 5.5)
9. Dong X, Chen W, Wang W, Zhang H, Liu X, Luo J<sup>\*</sup>. Comprehensive profiling and natural variation of flavonoids in citrus fruits. *Integr Plant Biol*, 2014, 9, 876-886. (IF: 3.7)
10. Dong X, Gao Y, Chen W, Wang W, Gong L, Liu X, Luo J<sup>\*</sup>. Spatio-temporal distribution of phenolamides in citrus fruits. *Mol Plant*, 2015, 8, 111-121. (IF: 6.3)
11. Wang S, Tu H, Wan J, Chen W, Liu X, Luo J, Xu J<sup>\*</sup>, Zhang H<sup>\*</sup>. Spatio-temporal distribution and natural variation of hydroxycinnamoyl spermidine in rice. *Mol Plant*, 2016, 9, 199, 8-17. (IF: 4.1)

版权所有: Copyright © 华中农业大学植物科学技术学院

地址: 湖北省武汉市洪山区狮子山街1号华中农业大学第三综合楼

邮箱: zkgb@mail.hzau.edu.cn

电话: 027-87282130

邮编: 430070

**友情链接:**

院系网站链接

高校网站链接

教育网站链接