

秋稻品种Dular广亲和基因的RFLP分析

严长杰1, 梁国华1, 朱立煌2, 顾铭洪1

1.扬州大学农学院农学系;扬州 225009; 2.中国科学院遗传研究所;北京 100101

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 利用Balilla//Dular/IR36和南京11//Dular/2533两个三交F1群体对秋稻品种Dular的广亲和性进行了遗传分析。为使杂种群体在相对一致的条件下抽穗,所有三交F1植株于穗分化前集中进行了为期1周的短日照处理。结果表明,两个群体的小穗育性均呈多峰连续分布,说明三交群体的育性可能受几个主基因控制,并受到微效基因的修饰。进一步采用分群分析法,以南京11//Dular/2533为分析群体进行广亲和基因的定位和分析,发现第6染色体上RFLP标记RG213、G200、RG64以及第12染色体上RG651和RG901所在的两个染色体片段与育性基因连锁。区间作图分析表明,在第6染色体的RG213-C235区间内存在1个QTL(即Sn5, LOD=9.03),其加性效应为19.58%,可解释表型变异的32.3%;在第12染色体检测到2个QTL,1个QT L(LOD=2.61)位于RG901-RG413区间内,加性效应为10.87%,可解释表型变异的10.5%;另一个QTL(LOD=2.14)位于G402-RG651区间内,其加性效应为13.03%,可解释表型变异的15.1%。在第12染色体上的两个广亲和基因暂时分别命名为Snd1(t)和Snd2(t)。

关键词 [水稻](#) [广亲和基因](#) [分群分析法](#) [区间作图](#)

分类号

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(487KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [复制索引](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

- ▶ [本刊中 包含“水稻”的 相关文章](#)
- ▶ 本文作者相关文章

- [严长杰](#)
- [梁国华](#)
- [朱立煌](#)
- [顾铭洪](#)

Abstract

Key words

DOI:

通讯作者