

## 水稻抗白叶枯病基因Xa4位点跨叠BAC克隆群的构建

江光怀1, 2, 王文明1, 谢兵2, 翟文学1, 鲁润龙2, 朱立煌1

1.中国科学院遗传研究所;北京 100101; 2.中国科学技术大学生命科学学院;安徽合肥 230026

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

**摘要** 水稻白叶枯病抗性基因Xa4已被定位于第11染色体长臂末端的分子标记G181和L1044之间, 并与抗性基因同源序列片段RS13 共分离。利用这3个标记筛选IRBB56的BAC文库, 共得到128个阳性BAC克隆, 其中RS13获得18个阳性克隆, 这18个克隆中有4个和6个克隆分别同时为G181和L1044的阳性克隆。选其中的12个克隆进行分析, 构建了一个从G181到L1044区间的BAC跨叠克隆群, 全长420kb, 并且56M22、106P13和104B153个BAC克隆可覆盖整个跨叠克隆群。这一研究结果为进一步分离Xa4基因打下了基础。

**关键词** [白叶枯病](#) [细菌人工染色体 \(BAC\)](#) [跨叠克隆群 \(contig\)](#) [抗病性](#) [水稻](#)

分类号

### Abstract

### Key words

DOI:

通讯作者

### 扩展功能

#### 本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(445KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献](#)

#### 服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [复制索引](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

#### 相关信息

- ▶ [本刊中 包含“白叶枯病”的相关文章](#)
- ▶ 本文作者相关文章

- [江光怀](#)
- [王文明](#)
- [谢兵](#)
- [翟文学](#)
- [鲁润龙](#)
- [朱立煌](#)