

广西普通野生稻 (*Oryza Rufipogon* Griff) 表型性状和SSR多样性研究

余萍^{1, 2}, 李自超^{1, ①}, 张洪亮¹, 李道远³, 王美兴¹, 孙俊立¹, 王象坤¹

1. 中国农业大学农业部作物基因组学与遗传改良重点实验室; 北京市作物遗传改良实验室; 北京 100094; 2. 中国科学院遗传与发育生物学研究所; 北京 100101; 3. 广西农科院水稻所; 南宁 530007

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 以中国普通野生稻初级核心种质中广西普野部分的223份野生稻为材料, 以平均分布于水稻12条染色体上的34对SSR引物和中国稻种资源目录中的表型性状分析广西普通野生稻SSR位点的等位变异、多样性的地理分布及不同生长习性间的多样性分布等。结果表明, 每对引物检测到的多态性片段7~48条, 平均为24.91条, 普通野生稻的等位变异数明显大于地方稻种, 在所分析的SSR位点中杂合位点比例变化在1.35%~81.31%之间, 平均为32.01%, 与自花授粉的栽培稻相比具有较高的杂合率; 北纬22°~23°和23°~24°范围内的两个区域内(一个包括隆安、扶绥和邕宁三县, 另一个包括象州、来宾、武宣、玉林和贵港五个县)所包含的普通野生稻数量多, 遗传多样性大, 在DNA水平上是广西普通野生稻的遗传多样性中心, 而表型性状多样性中心是在北纬21°~22°和22°~23°, 其多样性分布与DNA水平不完全一致。在4种生长习性间, DNA水平上的遗传多样性大小依次为匍匐型, 倾斜型, 半直立型和直立型, 表型水平的多样性与DNA水平的多样性基本一致。

关键词 [普通野生稻](#) [表型性状](#) [SSR标记](#) [遗传多样性](#)

分类号

1. Key Lab of Crop Genomics and Genetic Improvement; Ministry of Agriculture; Key Lab of Crop Genetic Improvement; China Agricultural University; Beijing 100094; China. 2. Institute of Genetics and Developmental Biology; Chinese Academy of Sciences; Beijing 100101; China; 3. Institute of Rice Research; Academy of Agricultural Science in Guangxi Province; Nanning 530007; China

Abstract

Key words [common wild rice \(*Oryza Rufipogon* Griff\)](#) [phenotypic trait](#) [SSR marker](#) [genetic diversity](#)

DOI:

通讯作者

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(277KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [复制索引](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

- ▶ [本刊中 包含“普通野生稻”的相关文章](#)
- ▶ 本文作者相关文章

- [余萍](#)
- [李自超](#)
- [张洪亮](#)
- [李道远](#)
- [王美兴](#)
- [孙俊立](#)
- [王象坤](#)