

## 普通小麦D2型CMS系恢复基因的遗传分析

刘春光, 吴郁文, 侯宁, 刘根齐, 张翠兰, 张炎

中国科学院遗传与发育生物学研究所植物细胞与染色体工程国家重点实验室;北京 100101

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

**摘要** 在育性基因遗传特征研究的基础上,通过测交筛选出遗4060、M8003、6D/6R、GR1、960789、保769-22-6等几个高恢复系,F2代、F1BC1代的遗传分析结果和等位性测验、F1代自交可育株的连续选择结果证明这些恢复系的育性恢复受两对独立遗传的主效基因控制,同时存在剂量不等的微效基因,建议将这两对主效恢复基因定名为D2Rf1、D2Rf1|、D<sup>2</sup>Rf<sup>2</sup> D2Rf2。恢复系的选育应以模式(2主效恢复基因+微效恢复基因)为首选。

**关键词** [普通小麦](#) [D2型CMS系](#) [恢复基因](#) [遗传分析](#)

分类号

### Abstract

### Key words

DOI:

通讯作者

### 扩展功能

#### 本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(211KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献](#)

#### 服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [复制索引](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

#### 相关信息

- ▶ [本刊中 包含“普通小麦”的相关文章](#)
- ▶ [本文作者相关文章](#)

- [刘春光](#)
- [吴郁文](#)
- [侯宁](#)
- [刘根齐](#)
- [张翠兰](#)
- [张炎](#)