

## 小麦-大赖草易位系的RFLP分析

王秀娥<sup>1</sup>, 陈佩度<sup>1</sup>, 周波<sup>1</sup>, 袁建华<sup>1</sup>, 刘文轩<sup>1</sup>, Bikram S Gill<sup>2</sup>, 刘大钧<sup>1</sup>

1.南京农业大学农业部作物细胞遗传重点开放实验室;南京 210095; 2.Department of Plant Pathology; Kansas State University; Manhattan KS66502 USA

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

**摘要** 利用辐射、花药培养及杀配子基因效应已创制出一系列小麦-大赖草易位系。为在其中找出可能的纯合易位系、明确易位所涉及的相关染色体以及易位断裂点的确切位置,利用了已被定位于小麦7个部分同源群染色体长、短两臂上的67个探针进行了RFLP分析,结果鉴定出3个纯合的易位系:T1BL\*7Lr#1S、T4BS\*4BL-7Lr#1S和T6AL\*7Lr#1S。其中,易位系T1BL\*7Lr#1S和T6AL\*7Lr#1S中染色体7Lr#1的断裂点位于标记MWG808和标记ABG476.1之间,而1B和6A染色体上的断裂点都在着丝粒附近。易位系T4BS\*4BL-7Lr#1S中染色体7L#1的断裂点位于标记BCD349和标记CD0595之间,4B染色体断裂点则位于标记CD0541和标记PSR164之间的长臂上。

**关键词** [小麦](#) [大赖草](#) [易位系](#) [RFLP](#)

分类号

### Abstract

### Key words

DOI:

通讯作者

### 扩展功能

#### 本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(680KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献](#)

#### 服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [复制索引](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

#### 相关信息

- ▶ [本刊中 包含“小麦”的 相关文章](#)
- ▶ 本文作者相关文章

- [王秀娥](#)
- [陈佩度](#)
- [周波](#)
- [袁建华](#)
- [刘文轩](#)
- [Bikram S Gill](#)
- [刘大钧](#)