

水稻CMS-DA育性恢复基因定位及其互作分析

谢建坤1, 2, 3, 庄杰云1, 樊叶杨1, 屠国庆1, 夏英武3, 郑康乐1

1.中国水稻研究所国家水稻改良中心;杭州 310006; 2.江苏省农业科学院水稻研究所;南昌 330200;
3.浙江大学原子核农业科学研究所;杭州 310029

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 在由210个测交组合组成的协青早A/(协青早B/密阳46)F⁶群体中,构建了由129个RFLP、SSLP组成的连锁遗传图谱。应用QTL分析方法,对水稻矮败型胞质雄性不育育性恢复基因进行了定位。检测到一个主效基因和3个效应较小的QTL(qRf-1、qRf-10-1、qRf-5),这些基因之间存在复杂的相互作用。

关键词 [细胞质雄性不育](#) [育性恢复](#) [基因定位](#) [水稻](#)

分类号

Abstract

Key words

DOI:

通讯作者

扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF\(167KB\)](#)

▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [复制索引](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ [本刊中 包含“细胞质雄性不育”的相关文章](#)

▶ [本文作者相关文章](#)

· [谢建坤](#)

·

·

· [庄杰云](#)

· [樊叶杨](#)

· [屠国庆](#)

· [夏英武](#)

· [郑康乐](#)