

扩展功能

本文信息

► [Supporting info](#)

► [PDF\(798KB\)](#)

► [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)

► [参考文献](#)

服务与反馈

► [把本文推荐给朋友](#)

► [加入我的书架](#)

► [加入引用管理器](#)

► [复制索引](#)

► [Email Alert](#)

► [文章反馈](#)

► [浏览反馈信息](#)

相关信息

► [本刊中无相关文章](#)

► [本文作者相关文章](#)

· [张虹](#)

· [程振起](#)

· [李潘](#)

大麦叶绿体4.5S rRNA核苷酸序列测定及其它叶绿体4.5S rRNA序列的比较

张虹，程振起¹，李潘

(中国科学院遗传研究所，北京)

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 本文采用酶法和化学法测定了大麦叶绿体4.5S rRNA的全序列：其长度为95个核苷酸残基。与已知的其它植物叶绿体4.5S rRNA序列比较，它们之间有很大的同源性。

关键词

分类号

The Nucleotide Sequence of Barley Chloroplast 4.5S rRNA

Zhang Hong Cheng Zhenqi¹ Li Fang

1) Institute of Genetics, Academia Sinica, Beijing 2) Institute of Biophysics, Academia Sinica, Beijing

Abstract

The complete nucleotide sequence of barley chloroplast 4.5S rRNA has been determined to be 95' using rapid gel sequencing techniques. This 4.5 S rRNA is 95 nucleotides long and shows high homology with those from other cereal plants. In addition, the secondary structure of the 4.5S rRNA has been deduced based on its sequence. Received January 15, 1986.

Key words

DOI:

通讯作者