

一组高度保守的水稻基因的鉴定与分析

胡欣¹, 胡昊¹, 洪国藩^{1,2}, 韩斌¹, ①

1.中国科学院上海生命科学研究院国家基因研究中心 上海 200233; 2.中国科学院上海生命科学研究院生化细胞研究所 上海 200031

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要

基于对水稻基因组序列的注解和同源搜索的结果,用RT-PCR结合测序的方法证明了水稻中至少有10个具有转录活性的基因。这10个基因的编码产物与酵母TRAPP蛋白复合体已知10个亚基中的6个分别同源。其中4对基因是双拷贝的,另2个则是单拷贝的(基于已知的水稻基因组序列)。所有这10个基因均在不同时期的水稻组织中广泛表达,并与其它真核生物的基因在基因结构及编码蛋白质序列水平上高度保守。这一方面为进一步研究基因的功能和作用机制提供了必要的实验依据,另一方面也显示了在基因组平台上进行高通量基因鉴定的可行性。

关键词 [水稻](#) [TRAPP亚基](#) [内质网-高尔基体转运牵引](#) [基因组序列注解](#) [反转录PCR](#)

分类号

1.National Center for Gene Research; Shanghai Institutes for Biological Sciences; Chinese Academy of Sciences; Shanghai 200233; China; 2.Institute of Biochemistry and Cell Biology; Shanghai Institutes for Biological Sciences; Chinese Academy of Sciences; Shanghai 200031; China

Abstract

Key words [rice](#) [TRAPP subunits](#) [ER-Golgi tethering](#) [genome annotation](#) [RT-PCR](#)

DOI:

通讯作者

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(348KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [复制索引](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

- ▶ [本刊中 包含“水稻”的 相关文章](#)
- ▶ 本文作者相关文章

- [胡欣](#)
- [胡昊](#)
- [洪国藩](#)
-
- [韩斌](#)
-