

水稻CMS-WA育性恢复基因的定位

庄杰云1, 2, 樊叶杨1, 吴建利1, 饶志明1, 夏英武2, 郑康乐1

1.中国水稻研究所国家水稻改良中心;杭州 310006; 2.浙江大学核农业科学研究所;杭州 310029

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 在由227个组合组成的珍汕97A×(珍汕97B×密阳46)F6测交群体中,构建了由115个RFLP标记组成的连锁图。应用QTL分析方法,定位控制水稻CMS-WA(野败型细胞质雄性不育)育性恢复的基因。检测到1个主效基因qRf-10和3个效应较小的QTL(qRf-1、qRf-7和qRf-11),它们之间主要表现累加效应。同时,有证据表明这些基因之间存在相互作用。不仅微效基因qRf-1和qRf-7分别与主效基因qRf-10存在显著互作,qRf-10的存在与否,还影响到其他基因的相互作用,即可能存在多重互作。另外,还检测到2个控制结实率的QTL,它们不具有育性恢复作用,但在qRf-10存在的情况下,其杂合子具有提高结实率的作用。

关键词 [细胞质雄性不育](#) [育性恢复基因](#) [RFLP标记](#) [水稻](#)

分类号

Abstract

Key words

DOI:

通讯作者

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(225KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [复制索引](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

- ▶ 本刊中 [包含“细胞质雄性不育”的相关文章](#)
- ▶ 本文作者相关文章

- [庄杰云](#)
- [樊叶杨](#)
- [吴建利](#)
- [饶志明](#)
- [夏英武](#)
- [郑康乐](#)