

研究论文

增广 NC II 设计和遗传模型测验

莫惠栋, 李志民

江苏农学院数量遗传研究室

收稿日期 1990-8-5 修回日期 1990-12-2 网络版发布日期 接受日期

摘要 本文提出的增广 NC II 设计,是指在 NC II 设计含 $f \times m$ 个杂交组合的基础上、再添加 $f+m$ 个纯系亲本的遗传交配设计。这一设计可对被研究性状的合适遗传模型(即加性,加性-显性,或加性-显性-上位性)作出统计选择;同时,还能对雌、雄亲的有关基因频率的同质性进行统计测验。文中推导了上述统计处理的遗传学依据,并以陆地棉的一个籽指性状为例解释了相应的统计程序。

关键词 [增广NCII设计](#) [遗传模型](#) [基因频率](#) [统计测验](#) [V_r-W_r分析](#)

分类号

Augmented NC II Design and Genetic Model Test

Mo Huidong, Li-Zimin

Laboratory of Quantitative Genetics; Jiangsu Agricultural College; Yangzhou

Abstract The augmented NC II design proposed in the article is a genetically mating design in which $f \times m$ crosses as well as $f+m$ selfing progenies of homozygous parents are included. From the design, the statistical choice for genetic models (i.e., additive, additive-dominance or additive-dominance-epistasis) of quantitative traits under consideration can be made. Meanwhile, the homogeneity of gene frequencies between female and male parents can also be tested. The genetic basis for the above statistical treatment was demonstrated.

Key words [Augmented NC II design](#) [Genetic model](#) [Gene frequency](#) [Statistical test](#) [V_r-W_r analysis](#)

DOI:

通讯作者

扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF\(409KB\)](#)

▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [复制索引](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ [本刊中包含“增广NCII设计”的相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

· [莫惠栋](#)

· [李志民](#)