

研究论文

利用SSR标记进行优质冬小麦品种(系)的遗传多样性研究

陈新民, 何中虎, 史建荣, 夏兰芹, Rick Ward, 周阳, 蒋国梁

中国农业科学院作物育种栽培研究所, 北京, 100081

收稿日期 2002-3-19 修回日期 2002-6-11 网络版发布日期 接受日期

摘要 遗传多样性研究对于作物育种具有重要意义. 选择分布于21条小麦染色体上的59对SSR引物对48个优质冬小麦新品种(系)进行了遗传多样性分析. 共检测出209个等位位点, 每对引物等位位点数在2~9之间, 平均为3.5个. 位点多态性信息含量PIC变幅为0.16~0.87, 平均0.56. 8个引物组合在一起可将全部品种区分开来, 48个品种可分为五类, 分类结果与品种系谱比较吻合. 结果表明SSR分子标记在鉴别品种和品种遗传多样性研究方面具有重要作用

关键词 [普通小麦](#) [SSR标记](#) [遗传多样性](#) [品种鉴别](#)

分类号

Genetic Diversity of High Quality Winter Wheat Varieties (Lines) Based on SSR Markers

Chen Xinmin, He Zhonghu, Shi Jianrong, Xia Lanqin, Rick Ward, Zhou Yang, Jiang Guoliang

Abstract

Key words

DOI:

通讯作者

扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF\(269KB\)](#)

▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [复制索引](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ [本刊中 包含“普通小麦”的 相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

- [陈新民](#)
- [何中虎](#)
- [史建荣](#)
- [夏兰芹](#)
- [Rick Ward](#)
- [周阳](#)
- [蒋国梁](#)