

水稻穗芽相关性状的QTL定位 [PDF]

陈海生 陶龙兴 王熹* 黄效林 庄杰云 郑康乐

(中国水稻研究所 水稻生物学国家重点实验室, 浙江 杭州 310006)

摘要: 利用305个株系组成的源自籼稻品种中156和谷梅2号的重组自交系群体进行了水稻穗芽性状的QTL检测和遗传效应分析。以穗芽指数及相关指标作为穗芽性状的表型值, 采用QTL Mapper 1.01统计软件进行QTL定位和上位性分析, 共检测到控制穗芽指数的3个加性效应QTL, 分别位于第2、9、11染色体上; 控制穗芽速率的加性效应QTL 3个, 分别位于第1、3、6染色体上; 控制穗芽率的加性效应QTL 3个, 分别位于第1、9、10染色体上; 控制粒穗芽的加性效应QTL 2个, 分别位于第9、11染色体上。还检测到3对影响穗芽指数的加性×加性上位性互作效应QTL; 3对控制穗芽速率的上位性QTL和3对控制粒穗芽率的上位性QTL。

关键词: 穗芽指数; 重组自交系; 数量性状座位; 水稻

中国水稻科学. 2006, 20(3): 253-258

.....
.....