

无栏目

起译密码子AUG侧翼序列对水稻基因表达水平的影响

@刘庆坡\$浙江大学农业与生物技术学院农学

@刘庆坡\$浙江大学农业与生物技术学院农学系!杭州310029杭州华大基因研发中心,杭州310007 @谭军\$杭州华大基因研发中心!杭州310007 @薛庆中\$浙江大学农业与生物技术学院农学系!杭州310029杭州华大基因研发中心,杭州310007

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 对541条水稻基因序列测定了其起译密码子AUG侧翼区序列(-20~+6)不同位点的同义密码子偏性及基因表达水平。结果表明,与密码子适应指数(CAI)和密码子偏好指数(CPP)、mRNA丰度呈显著或极显著相关的位点分别有5个(-19、-18、-9、-4和+5)、8个(-19、-18、-14、-9、-6、-4、-1和+5)和7个(-18、-16、-15、-9、-7、-1和+6),其中只有-4和+5位点与CAI和CPP的值正相关,表明上述位点在转录水平上处于有利进化的自然选择压。对高表达的变应原蛋白基因7个特殊位

关键词 [水稻](#) [起译密码子](#) [侧翼序列](#) [同义密码子偏性](#) [基因表达水平](#) [定点突变模拟](#)

分类号

DOI:

通讯作者:

作者个人主页: @刘庆坡\$浙江大学农业与生物技术学院农学

扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF](#) (513KB)

▶ [\[HTML全文\]](#) (0KB)

▶ [参考文献\[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ [本刊中 包含“水稻”的 相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

▶ [@刘庆坡\\$浙江大学农业与生物技术学院农学](#)