

作物遗传育种·种质资源

普通小麦 (T.aestivum L.) 不同作图群体抽穗期QTL分析

宋彦霞,景蕊莲,霍纳新,任正隆,贾继增

中国农科院作物科学所

收稿日期 2005-10-23 修回日期 2006-3-26 网络版发布日期 接受日期

摘要 【目的】对小麦抽穗期进行数量性状位点 (QTL) 分析。【方法】以早选10号/鲁麦14和温麦6号/山红麦两个作图群体为材料, 在大田及温室条件下, 观察小麦抽穗期等性状。利用混合线性模型, 进行QTL分析。【结果】抽穗期在两个作图群体中均呈现连续分布, 表现为多基因控制的数量性状; 共检测到9个 QTL位点, 分别位于染色体2D、3B (2个)、3D、4A、5B、6B、6D和7D上, 对抽穗期的贡献率在3.97%~22.91%之间; 有15组QTL位点之间存在基因互作效应, 互作的加性效应大小范围为0.77~2.16 d, 互作效应对性状的贡献率在4.35%~21.44%之间。【结论】抽穗期QTL的检测受环境影响较大; 抽穗期QTL位点在染色体上的分布较多; 不同染色体间则存在基因互作现象。

关键词 [小麦](#) [加倍单倍体群体](#) [重组自交系群体](#) [抽穗期](#) [QTL](#)

分类号

DOI:

通讯作者:

贾继增 jiajizeng_jiajizeng_jzjia@mail.caas.net.cn

作者个人主页: [宋彦霞](#); [景蕊莲](#); [霍纳新](#); [任正隆](#); [贾继增](#)

扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF \(370KB\)](#)

▶ [\[HTML全文\] \(OKB\)](#)

▶ [参考文献 \[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ [本刊中 包含“小麦”的 相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

· [宋彦霞](#)

· [景蕊莲](#)

· [霍纳新](#)

· [任正隆](#)

· [贾继增](#)