

农业生物技术科学

基于SSR-PCR标记的不同种群玉米种质遗传多样性研究

雷开荣<sup>1</sup>, 吴红<sup>2</sup>, 林清<sup>3</sup>, 陈旭<sup>3</sup>, 杨华<sup>4</sup>, 邱正高<sup>4</sup>

1. 重庆市农业科学院
2. 重庆市农业科学院生物技术研究中心
3. 重庆市农业科学院生物中心
- 4.

收稿日期 2009-1-20 修回日期 2009-2-25 网络版发布日期 2009-5-20 接受日期 2009-5-15

**摘要** 利用SSR-PCR分子标记对硬粒型、马齿型、半马齿型、爆裂型、甜质型、糯质型6个种群共72份玉米种质的遗传多样性进行了分析研究。57对SSR引物在供试材料中共计检测出222个等位基因位点, 每对引物检测出2-8个等位基因, 平均3.89个。试验材料间Nei' S遗传距离变幅为0.0793-0.6637; 爆裂型、甜质型、糯质型3个特用玉米种群内材料间平均遗传距离明显小于种群间平均遗传距离, 3个普通玉米种群(硬粒型、马齿型、半马齿型)则表现为种群内、种群间平均遗传距离无明显差异; 特用玉米种质间遗传距离变异幅度总体上小于普通玉米种质间以及特用玉米与普通玉米间遗传距离的变异幅度。根据UPGMA法, 将18个特用玉米自交系分为三个组, 与其种群划分基本相符。试验用大部分普通玉米种质均可划入以标准测验种为代表的5个杂种优势类群中, 而又以PB群、旅大红骨群和BSSS群为主, 分别占31.5%、16.7%和14.8%。

**关键词** [玉米](#) [遗传多样性](#); [SSR-PCR标记](#)

分类号

DOI:

对应的英文版文章: [2009-0134](#)

通讯作者:

雷开荣 [leikairong@126.com](mailto:leikairong@126.com)

作者个人主页: 雷开荣<sup>1</sup>; 吴红<sup>2</sup>; 林清<sup>3</sup>; 陈旭<sup>3</sup>; 杨华<sup>4</sup>; 邱正高<sup>4</sup>

## 扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF \(851KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\] \(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献\[PDF\]](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [引用本文](#)
- ▶ [Email Alert](#)

相关信息

- ▶ [本刊中 包含“玉米”的 相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

- [雷开荣](#)
- [吴红](#)
- [林清](#)
- [陈旭](#)
- [杨华](#)
- [邱正高](#)