

【作者】	刘晓红, 蔡为明, 叶爱华, 何金铃, 董伟
【单位】	安徽农业大学生命科学院, 安徽合肥
【卷号】	37
【发表年份】	2009
【发表刊期】	32
【发表页码】	15728-15729
【关键字】	杏鲍菇; 遗传多样性; RAPD
【摘要】	<p>【目的】找出一种适合杏鲍菇自身的分子标记方法, 为其亲缘关系研究提供借鉴。【方法】利用随机扩增多样性DNA (RAPD) 对23种来自我国不同地区的杏鲍菇品种进行遗传多样性分析, 寻找一种适合杏鲍菇自身的分子标记方法。【结果】筛选出的12个RAPD引物扩增出谱带121条, 多态性谱带95条, 多态率为78%, 表现出丰富的RAPD多态性; 利用NTSYS PC2. 1软件进行UPGMA聚类分析, 可将该23份材料分为5大类, 存在较大的遗传差异性。【结论】RAPD技术用于杏鲍菇遗传多样性的分析是有效的, 并且能检测到更高的品种间遗传差异。</p>
【附件】	 PDF下载 PDF阅读器下载 关闭