

研究简报

宁强矮马生长激素基因 (GH) 的遗传变异分析

张涛,路宏朝,陈锐,周建军

(陕西理工学院生物科学与工程学院)

收稿日期 2009-4-17 修回日期 2009-7-14 网络版发布日期 2009-12-10 接受日期 2009-12-6

摘要

【目的】通过分析不同动物和中国几个地方马种生长激素基因序列,为宁强矮马起源和矮化形成机制的研究提供分子水平的试验依据。**【方法】**通过PCR扩增宁强矮马生长激素基因并进行测序,用DNAMAN软件对不同动物的生长激素基因序列进行比对分析。**【结果】**马品种间29个位点发生遗传变异,编码区11个位点发现遗传多态现象。以蒙古马生长激素氨基酸序列为标准,宁强矮马仅在1 765位点的变异导致氨基酸发生改变。以生长激素的mRNA序列为基本数据进行聚类分析,宁强矮马和德保马67的同源性为100%,与百色马的同源性为99.8%,与蒙古马的同源性为99.7%。**【结论】**马属动物生长基因序列与猪和狗的同源性较高,宁强矮马1 765位的G→A可能影响到宁强矮马的生长发育。

关键词 [宁强矮马](#) [生长激素基因](#) [序列分析](#) [遗传变异](#)

分类号

DOI:

通讯作者:

作者个人主页:

张涛;路宏朝;陈锐;周建军

扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF\(259KB\)](#)

▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)

▶ [参考文献\[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

相关信息

▶ [本刊中 包含“宁强矮马”的 相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

· [张涛,路宏朝,陈锐,周建军](#)