



栏目导航

- 导师简介
- 重点学科
- 博士点
- 硕士点

招生专栏

more

信息导航

教务处
研究生处
科技处
校历查询

科研平台

国家小麦工程技术研究中心
国家玉米改良(郑州)分中心
河南省作物生长发育调控
重点实验室
农业部黄淮海玉米技术
区域创新中心

友情链接

- 兄弟院校
- 项目申报
- 便民查询
- 学术网站

站内搜索

搜索

导师简介

汤继华

河南农业大学研究生导师简

姓名	汤继华	姓名拼音	Tang jihua
性别	男	职称/职务	教授
出生年月	1969.02	民族	汉
导师类别	硕士	政治面貌	中共党员
所在院系	农学院		
所在学科	作物遗传育种		
研究专长	玉米分子生物学		
电话、传真	0371-63558127		
通讯地址	郑州市文化路95号		
E-mail	Tangjihua1@163.com		



导师批准时间和指导研究生情况

2004, 目前指导硕士研究生9人。

学习经历

1987.09-1991.07, 河南农业大学农学系学习, 获学士学位;
1991.09-1994.07, 河南农业大学作物遗传育种专业学习, 获硕士学位;
(大学以后)
1998.09-2001.07, 华中农业大学作物遗传育种专业学习, 获博士学位;
2003.01-2005.12, 中国农业大学博士后流动站工作, 副教授。

任职经历

1994.08-1998.08, 河南农业大学农学院, 助教;
2001.08-2003.10, 河南农业大学农学院, 讲师;
2003.11-2008.10, 河南农业大学农学院, 副教授;
2008.11-今, 河南农业大学农学院, 教授。

学术和社会兼职

河南省遗传学会理事、青年工作委员会副主任; 农业部转基因检测实验室。

承担主要科研项目

承担的科研项目:

- 1、玉米C型胞质雄性不育恢复主基因的分离与克隆, 国家自然科学基金
- 2、玉米穗分化相关基因的克隆, 国家自然科学基金, 2009-2011;
- 3、玉米不育化制种技术研究及其应用, 十五“863”重大专项子课题,
- 4、玉米氮高效利用的分子机理研究, 教育部新世纪优秀人才支持计划。
- 5、玉米氮高效利用的遗传机理研究与新品种选育, 河南省杰出青年基金获得的奖励:
- 1、优良玉米杂交种豫玉22号的选育与不育化制种技术应用及其产业化奖, 2004;
- 2、高产优质多抗大穗型玉米杂交种豫玉22号的选育及其大面积推广应用等, 2003;
- 3、玉米矮花叶病抗性遗传机理研究及其应用, 河南省科技进步二等奖。
- 4、玉米雄性不育的遗传机理与不育化制种技术研究及其大面积推广应用等, 2000。
- 5、教育部新世纪优秀人才, 2007;

	6、河南省优秀青年科技专家，2007； 7、河南省555人才，2008； 8、河南省五四青年奖章，2009；
论著和论文 (著作限填5部，代表性论文10篇)	代表性论文： 1、Tang J H, Fu Z Y, Hu Y M, Li J S, Sun L L, Ji H Q. Genetic mapping of a new thermo-sensitive genic male sterile gene in maize. <i>Euphytica</i> , 2006, 113(1): 113-115 (SCI) 2、Hu Y M, Tang J H, Yang H, Xie H L, Lu X M, Niu J H, Chen J. Cloning and mapping of <i>Rf-1</i> an inhibitor of the <i>Rf5</i> restorer gene for <i>mays</i> L.). <i>TAG</i> , 2006, 113(2): 357-360 (SCI) 3、Tang J H, Teng W T, Ma X Q, Yan J B, Meng Y J, Li J S. The genetic control of plant height by molecular markers using a population of recombinant inbred lines in maize. <i>Euphytica</i> , 2007, 155: 117-124 (SCI) 4、Tang J H, Ma X Q, Teng W T, Yan J B, Wu W R, Dai J R, Li J S. Quantitative trait loci and heterotic loci for plant height using a F2 population in maize. <i>Chinese Science Bulletin</i> , 2007, 52: 41-45 5、Liu Z H, Tang J H, Wu L C, Tian G W, Chen S J, Wang C L, Tang J H. Quantitative trait loci mapping for nutrient components in maize kernels under drought stress. <i>Plant breeding</i> , 2008, 127: 279-285 (SCI, 通讯作者) 6、Xie H L, Ji H Q, Liu Z H, Tian G W, Wang C L, Hu Y M, Tang J H. Genetic mapping of nutritional content of stover in maize under low nitrogen conditions. <i>Euphytica</i> , 2009, 165: 485-493 (SCI, 通讯作者) 7、Ma X Q, Tang J H, Teng W T, Yan J B, Li J S. Epistatic interaction is an important genetic basis of grain yield and its components in maize. <i>Plant breeding</i> , 2007, 20: 41-51 (SCI) 8、Lu G H, Tang J H, Ma X Q, Li J S, Dai J R. Quantitative trait loci for yield of maize yield and its components under different water treatments. <i>Journal of Integrative Plant biology</i> , 2006, 48: 1233-1237 9、Fu Z Y, Xie H L, Li J S, Hao Z Y, Tang J H. Genetic linkage analysis of a thermo-sensitive genic male sterility in maize. <i>Gene & Genetic Engineering</i> , 2006, 499-505 (SCI, 通讯作者) 10、Li Y L, Tang J H, Qin G Y, Hou Y P. Maize pollen mutational activation of a thermo-sensitive genic male sterile gene. <i>Plant breeding</i> , 2007, 20: 52-56 (SCI)