

作物遗传育种·种质资源·分子遗传学

大豆异地衍生RIL群体主要数量性状的自然选择效应

李永春, 喻德跃, 徐 冉, 盖钧镒, 邢 邯

南京农业大学大豆研究所/国家大豆改良中心/作物遗传与种质创新国家重点实验室

收稿日期 2007-4-4 修回日期 网络版发布日期 2008-7-21 接受日期

摘要 【目的】探明大豆杂交组合在不同生态条件下衍生重组自交系群体的遗传结构的差异及其成因。【方法】以Peking×7605、RN-9×7605两个组合分别在南京和济南衍生的RIL群体为材料, 比较同一杂交组合在两地衍生群体主要数量性状的表型差异, 鉴别大豆主要数量性状不同生态环境条件下的自然选择效应。【结果】Peking×7605组合衍生的两个群体在南京和济南种植, 其株高和分枝数均表现出显著差异; RN-9×7605组合衍生的两个RIL群体在南京和济南种植, 其分枝数、有效荚数、单株粒数和百粒重等表现均差异显著。【结论】上述性状发生了明显的自然选择效应, 经表型方差分解证实性状差异由群体间遗传结构存在的真实差异造成。

关键词 [大豆](#) [数量性状](#) [自然选择](#) [重组自交系群体](#) [遗传结构](#) [环境条件](#)

分类号

DOI:

通讯作者:

邢 邯 hanx@njau.edu.cn

作者个人主页: 李永春; 喻德跃; 徐 冉; 盖钧镒; 邢 邯

扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF\(294KB\)](#)

▶ [\[HTML全文\]\(OKB\)](#)

▶ [参考文献\[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

相关信息

▶ [本刊中包含“大豆”的相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

· [李永春](#)

· [喻德跃](#)

· [徐 冉](#)

· [盖钧镒](#)

· [邢 邯](#)