

无栏目

K型小麦细胞质雄性不育系育性恢复基因的SSR分子标记分析

刘保申,孙其信,高庆荣,孙兰珍,解超杰,李传友,倪中福,窦秉德,魏艳玲

山东农业大学农学院

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 以 (K冀 5 4 18A || 9112 89/LK783)三交F1分离群体的极端不育株和极端可育株分别建立保持池和恢复池,利用 79对SSR引物对两池间的多态性进行了研究。分析表明,6对SSR引物在两池间扩增出了稳定的多态性差异,在分离群体上验证结果表明,LK783的育性恢复基因与 4个SSR引物的扩增位点Xgwm11、Xgwm18、Xgwm2 6 4a和Xgwm 2 73有连锁关系,该育性恢复基因与Xgwm11、Xgwm18和Xgwm2 73的遗传距离为  $6.54 \pm 4.37\text{cM}$ ,与Xgwm2 6 4a的遗传距离为  $5.71 \pm 4.10\text{cM}$ ,这 4个引物可应用于K型小麦细胞质雄性不育系育性恢复基因的标记辅助选择。利用中国春缺体四体系和双端体系进一步将Xgwm11、Xgwm18、Xgwm2 6 4a和Xgwm2 73定位于 1BS,说明LK783的育性恢复基因位于 1BS,但它在 1BS上的相对位置与Rfv1有所不同,它们的等位性关系有待于进一步研究

关键词 [小麦](#) [雄性不育](#) [恢复基因](#) [分子标记](#) [微卫星](#)

分类号

DOI:

通讯作者:

作者个人主页: 刘保申;孙其信;高庆荣;孙兰珍;解超杰;李传友;倪中福;窦秉德;魏艳玲

## 扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF \(302KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\] \(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献 \[PDF\]](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [引用本文](#)
- ▶ [Email Alert](#)

相关信息

- ▶ [本刊中 包含“小麦”的 相关文章](#)
- ▶ 本文作者相关文章
  - [刘保申](#)
  - [孙其信](#)
  - [高庆荣](#)
  - [孙兰珍](#)
  - [解超杰](#)
  - [李传友](#)
  - [倪中福](#)
  - [窦秉德](#)
  - [魏艳玲](#)