

李亚莉<sup>1</sup> 杨晓曦<sup>2</sup> 赵丰萍<sup>3</sup> 许明辉<sup>3,\*</sup>

(1中国科学院 昆明植物研究所, 云南 昆明 650204; 2云南省环境保护局 珍稀植物引种繁育中心, 云南 昆明 650032; 3云南省农业科学院 生物技术与种质资源研究所, 云南 昆明 650223)

摘要: 利用经测验可区分籼粳品种的19对SSR特异引物对来自云南元江普通野生稻自然居群的56个个体进行了SSR分析。19对引物中, 有17对(占89.47%)在所有参试个体中仅能扩增出一种带型, 而RM18和RM251能扩增出多态带型。RM4等16对(84.21%)引物扩增出的带与籼稻或粳稻特征带相同, 其中11个位点偏粳而4个位点偏籼; RM18、RM202、RM205等3对引物扩增出的带型不同于籼稻或粳稻带型。结果表明, 云南元江普通野生稻基因组DNA在所检测的19个位点上, 多数位点(89.47%)上个体间无差异, 84.21%的位点已有籼粳分化, 13.79%的位点仍具有原始性。说明云南元江普通野生稻主体比较纯而原始, 但已开始了籼粳的分化。

关键词: 普通野生稻; 籼粳分化; 微卫星标记

中国水稻科学. 2006, 20(2): 137-140

.....  
.....