

园林园艺

18份大蒜种质资源遗传多样性的RAPD分析*

韩曙¹, 丁玉梅², 王世华³, 李智梅⁴, 苗长辉¹, 寸寿艳¹, 杨正安^{1**}

1. 云南农业大学 园林园艺学院, 云南 昆明 650201;
- 2 云南省农业科学院, 云南省农业生物技术重点实验室, 云南 昆明 650223;
3. 云南省镇雄县雨河农技站, 云南 镇雄657208; 4. 云南省建水县园艺站, 云南 建水654300

收稿日期 2008-10-20 修回日期 2009-11-6 网络版发布日期 接受日期

摘要 应用RAPD标记对大蒜18个品种的遗传多样性和亲缘关系进行分析。从38个随机引物中筛选出6个多态性明显、反应稳定的引物, 共扩增出36条谱带, 其中多态性谱带27条。根据36个标记位点的信息, 利用POPGENE32软件计算相关参数。结果表明, 在物种水平上, 多态性位点百分率P=75%, 平均每个位点有效等位基因数Ne=1.4964, Nei s基因多样性指数H=0.2819, Shannon s多样性信息指数I=0.4158。根据Nei s遗传距离进行各类型间的UPGMA聚类分析, 聚类结果将18个品种分为2大类群, 成都二水早与其它地区大蒜种质资源有较大差别。

关键词 [大蒜](#); [种质资源](#); [RAPD](#); [遗传多样性](#)

分类号 [S 633.4.024](#)

DOI:

通讯作者:

作者个人主页: [韩曙¹](#); [丁玉梅²](#); [王世华³](#); [李智梅⁴](#); [苗长辉¹](#); [寸寿艳¹](#); [杨正安^{1**}](#)

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(999KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献\[PDF\]](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [引用本文](#)
- ▶ [Email Alert](#)

相关信息

- ▶ [本刊中 包含“大蒜; 种质资源; RAPD; 遗传多样性”的 相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

- [韩曙](#)
- [丁玉梅](#)
- [王世华](#)
- [李智梅](#)
- [苗长辉](#)
- [寸寿艳](#)
- [杨正安](#)