

农业生物技术科学

芝麻SRAP反应体系的建立与优化

车卓¹,张艳欣²,孙建²,黄波²,张秀荣²

1. 甘肃农业大学农学院
2. 中国农业科学院油料作物研究所

收稿日期 2008-7-30 修回日期 2008-8-18 网络版发布日期 2008-10-6 接受日期 2008-10-6

摘要 以芝麻幼叶提取的DNA为试验材料,通过对影响SRAP扩增结果的重要反应因素dNTPs、Mg²⁺、Taq酶、随机引物及模板DNA进行优化,建立了芝麻扩增多态性高、稳定性强、带型清晰的SRAP最佳反应体系:dNTPs (10mmol/L) 0.30 μ l, Mg²⁺ (25mmol/L) 1.20 μ l, Taq酶1.00U, 正反引物各50ng, DNA模板80ng, 10 \times Buffer 1.5 μ l, 总体积15 μ l, 为SRAP标记技术在芝麻分子生物学研究方面的应用奠定了基础。

关键词 [芝麻](#) [SRAP反应体系](#) [建立与优化](#)

分类号

DOI:

对应的英文版文章: [2008-0610](#)

通讯作者:

张秀荣 zhangxr@oilcrops.cn

作者个人主页: [车卓¹](#); [张艳欣²](#); [孙建²](#); [黄波²](#); [张秀荣²](#)

扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF \(566KB\)](#)

▶ [\[HTML全文\] \(0KB\)](#)

▶ [参考文献\[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ [本刊中包含“芝麻”的相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

· [车卓](#)

· [张艳欣](#)

· [孙建](#)

· [黄波](#)

· [张秀荣](#)