

研究报告

利用SSR标记和表型性状聚类分析食味优良粳稻多样性

张春红¹,李金州^{1,2},朱镇¹,张亚东¹,赵凌¹,王才林^{1,*}

¹江苏省农业科学院 粮食作物研究所/江苏省优质水稻工程技术研究中心/国家水稻改良中心南京分中心, 江苏南京210014; ²南京农业大学 农学院, 江苏 南京 210095; * 通讯联系人, E-mail: clwang@jaas.ac.cn

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 用SSR分子标记、食味性状、农艺性状3种数据对来自国内外不同地域的食味表现优良的常规粳稻品种(系)进行了多样性分析。72对SSR引物在60份供试材料中检测到290个等位基因变异,以第5染色体上平均等位基因数目最多。大部分食味优良粳稻材料之间的遗传相似性较高,遗传相似系数范围为0.600~0.924,检测的标记是以3~4个等位基因为主的SSR引物位点。利用SSR标记检测等位基因的材料分群结果表现出一定程度的地域性,江苏省内大多材料可聚为一类,而其他少数及北方粳稻材料多与国外食味优异粳稻品种亲缘关系较近,与其系谱分析结果基本一致。以食味鉴定表型性状为依据,部分产地来源不同而食味优良的材料明显聚为一类,表明遗传基础是决定其食味的主要因素。农艺性状表现与材料来源有一致性,而与食味优良的关系有待进一步明确。

关键词 [粳稻](#); [微卫星标记](#); [聚类分析](#); [表型性状](#); [食味](#); [遗传多样性](#)

分类号

DOI: 10.3969/j.issn.1001-7216.2009.06.03

通讯作者:

作者个人主页: 张春红¹;李金州^{1,2};朱镇¹;张亚东¹;赵凌¹;王才林^{1,*}

扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF\(2917KB\)](#)

▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)

▶ [参考文献\[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ [本刊中 包含“粳稻; 微卫星标记; 聚类分析; 表型性状; 食味; 遗传多样性”的 相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

· [张春红¹,李金州^{1,2},朱镇¹,张亚东¹,赵凌¹,王才林^{1,*}](#)