

园艺

柚类种质资源AFLP与SSR遗传多样性分析

刘勇,孙中海,刘德春,吴波,陶建军

收稿日期 2005-3-22 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 结合SSR引物和AFLP分子标记对110份柚类基因型、12份野生近缘种进行遗传多样性研究。结果表明,SSR标记的335个位点中99.1%为多态性位点,每个位点可检测到9.85个等位基因,基因多样性(GD)变幅为0.1939~0.9073,获得了46个特异性SSR标记;AFLP标记的343个位点中72%为多态性位点,3对引物平均期望杂合度变幅为0.21863~0.28445,平均每对引物组合能产生82个多态位点,获得了44个AFLP特异性标记。UPGMA聚类结果显示,122份基因型在相似系数0.61时,分成8个组群,其中柚类主要由沙田柚品种群、文旦品种群与庞大的杂种柚品种群组成。分类结果将有利于更好地利用这些丰富的育种资源。

关键词 [柚类,种质资源,遗传多样性,SSR,AFLP](#)

分类号

DOI:

通讯作者:

作者个人主页: 刘勇;孙中海;刘德春;吴波;陶建军

扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF\(478KB\)](#)

▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)

▶ [参考文献\[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ [本刊中包含“柚类,种质资源,遗传多样性,SSR,AFLP”的相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

· [刘勇](#)

· [孙中海](#)

· [刘德春](#)

· [吴波](#)

· [陶建军](#)