

果树

山楂 (*Crataegus pinnatifida* Bge.) 遗传多样性的RAPD和ISSR标记分析

代红艳^{1,2}, 郭修武^{1,2}, 张叶¹, 李媛媛^{1,2}, 李贺^{1,2}, 周传生², 张志宏^{1,2*}

(¹沈阳农业大学果树生物技术与遗传改良创新团队, 沈阳110161; ²沈阳农业大学园艺学院, 沈阳110161)

收稿日期 2008-2-3 修回日期 2008-6-11 网络版发布日期 2008-8-26 接受日期

摘要

利用RAPD和ISSR标记对35份山楂 (*Crataegus pinnatifida* Bge.) 资源进行了DNA多态性分析。12个RAPD引物共扩增出110条清晰的谱带, 其中89条显示多态性, 平均每个引物扩增出7.4条多态性谱带。13个ISSR引物共扩增出110条清晰的谱带, 其中94条显示多态性, 平均每个引物扩增出7.2条多态性谱带。基于RAPD和ISSR标记, 利用UPGMA分别构建了35份山楂资源的聚类树状图。距离系数分别为0~0.62 (RAPD) 和0~0.64 (ISSR), 表明山楂具有较高的遗传多样性。

关键词 [山楂](#) [RAPD](#) [ISSR](#) [遗传多样性](#)

分类号 [S 661.5](#)

DOI:

对应的英文版文章: [8-4](#)

通讯作者:

张志宏 zhangz@syau.edu.cn

作者个人主页: 代红艳^{1,2}; 郭修武^{1,2}; 张叶¹; 李媛媛^{1,2}; 李贺^{1,2}; 周传生²; 张志宏^{1,2*}

扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF](#) (593KB)

▶ [\[HTML全文\]](#) (0KB)

▶ [参考文献\[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ [本刊中 包含“山楂”的 相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

· [代红艳](#)

· [郭修武](#)

· [张叶](#)

· [李媛媛](#)

· [李贺](#)

· [周传生](#)