

研究简报

海南椰子栽培品种的SSR标记分析

柳晓磊<sup>1</sup>, 汤华<sup>1</sup>, 李东栋<sup>2\*</sup>, 王茜<sup>1</sup>, 林艳青<sup>1</sup>, 周蓉<sup>1</sup>

(<sup>1</sup>海南大学农学院生物技术系, 海口 570228; <sup>2</sup>海南大学理工学院生物工程系, 海口570228)

收稿日期 2008-4-24 修回日期 2008-7-3 网络版发布日期 2008-8-26 接受日期

摘要

应用简单重复序列 (SSR) 标记方法, 对海南的11个椰子栽培品种进行了遗传多样性分析。选取30对引物用于PCR扩增, 有23对引物扩增出有效多态性片段136条, 平均多态性百分率为95.77%, 每对引物扩增出的带数2~12条不等, 平均为6.17条, 每个SSR位点的多态信息量 (PIC) 变化于0.173~0.896之间, 平均为0.561。11份材料之间遗传相似系数变化范围0.061~0.861, 说明海南椰子栽培品种之间存在丰富的遗传多样性。UPGMA聚类分析结果表明, 11个椰子栽培品种分为四个类群和两个亚群。SSR标记反映出的品种间亲缘关系与形态学研究的分类结果并不完全吻合。

关键词 [椰子](#) [SSR](#) [遗传多样性](#)

分类号 [S 667.4](#)

DOI:

对应的英文版文章: [8-16](#)

通讯作者:

李东栋 [liddfym@hotmail.com](mailto:liddfym@hotmail.com)

作者个人主页: [柳晓磊<sup>1</sup>](#); [汤华<sup>1</sup>](#); [李东栋<sup>2\\*</sup>](#); [王茜<sup>1</sup>](#); [林艳青<sup>1</sup>](#); [周蓉<sup>1</sup>](#)

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF \(529KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\] \(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献 \[PDF\]](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [引用本文](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

- ▶ [本刊中 包含“椰子”的 相关文章](#)
- ▶ 本文作者相关文章

- [柳晓磊](#)
- [汤华](#)
- [李东栋](#)
- [王茜](#)
- [林艳青](#)
- [周蓉](#)