

【作者】	石志刚, 安巍, 焦恩宁, 赵建华, 王亚军
【单位】	宁夏枸杞工程技术研究中心, 宁夏银川
【卷号】	36
【发表年份】	2008
【发表刊期】	20
【发表页码】	8486-8487
【关键字】	枸杞属; ITS序列; DNA测序; 鉴定
【摘要】	<p>[目的] 〔HTK〕拟从分子水平对菜用枸杞进行鉴定。[方法] 〔HTK〕利用nrDNA ITS(核糖体DNA基因内转录间隔区)碱基序列测定的方法对5份菜用枸杞资源进行碱基序列测定并分析序列差异。[结果] 〔HTK〕首次获得5种菜用枸杞nrDNA ITS区碱基序列, 整个ITS序列长度变异范围为628~632 bp, 平均为630 bp, 共有79个变异位点, 占12.5%, 保守位点553, 占87.5%。基于nrDNA ITS序列差异的品种聚结果与依据形态指标的是划分结果相符。[结论] 〔HTK〕nrDNA ITS区测序分析可作为分子水平鉴定菜用枸杞不同种质来源的又一途径。</p>
【附件】	 PDF下载 <a href="#">PDF阅读器下载</a>

关闭