

蔬菜

黄瓜属Ty1-copia类逆转座子逆转录酶序列的克隆及分析

江彪, 娄群峰, 刁卫平, 陈龙正, 张万萍, 陈劲枫*

(作物遗传与种质创新国家重点实验室, 南京农业大学园艺学院, 南京 210095)

收稿日期 2008-2-29 修回日期 2008-5-12 网络版发布日期 2008-8-26 接受日期

摘要

根据Ty1-copia类逆转座子逆转录酶的保守区设计简并引物, 通过PCR扩增, 从黄瓜属野生种酸黄瓜 (*Cucumis hystrix* Chakr.) 和栽培黄瓜 (*Cucumis sativus* L.) 中均扩增出260 bp左右的目标条带。扩增产物经纯化后克隆于pGEM-T Easy质粒载体, 选择阳性克隆, 再经菌落PCR鉴定, 然后进行测序及序列分析。本文获得了21条来源于酸黄瓜和栽培黄瓜的逆转录酶序列, 通过核苷酸聚类分为5个家族。这些核苷酸序列具有较高的异质性, 主要表现为缺失突变, 序列长度变化范围为255~272 bp, 同源性范围为27.0%~98.1%。翻译成氨基酸后, 有4条序列出现终止密码子突变, 6条序列表现出移框突变。将这些逆转录酶的氨基酸序列与已登陆的不同物种同一类型逆转录酶的氨基酸序列进行聚类分析, 表明它们可能有共同的起源。

关键词 [黄瓜属](#) [Ty1-copia类逆转座子](#) [逆转录酶](#) [异质性](#)

分类号 [S 642.2](#)

DOI:

对应的英文版文章: [8-8](#)

通讯作者:

陈劲枫 jfchen@njau.edu.cn

作者个人主页: [江彪](#); [娄群峰](#); [刁卫平](#); [陈龙正](#); [张万萍](#); [陈劲枫*](#)

扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF \(602KB\)](#)

▶ [\[HTML全文\] \(0KB\)](#)

▶ [参考文献 \[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ [本刊中包含“黄瓜属”的相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

· [江彪](#)

· [娄群峰](#)

· [刁卫平](#)

· [陈龙正](#)

· [张万萍](#)

· [陈劲枫](#)