

农业生物技术科学

### 白菜种质遗传多样性与亲缘关系的ISSR标记分析

杜黎明,胡天华,包崇来,朱琴妹,胡海娇,毛伟海

浙江省农业科学院

收稿日期 2009-1-9 修回日期 2009-3-11 网络版发布日期 2009-6-5 接受日期 2009-6-1

**摘要** 摘要: 从分子水平用ISSR标记法对白菜遗传多样性进行分析,从100个ISSR引物中共筛选出11个多态性明显、条带清晰、反应稳定的引物,对65个样品DNA共扩增出107条谱带,平均每个引物扩增出9.72条带,其中多态性位点102个(93.5%)。种间遗传相似系数在遗传距离在0.40~0.65之间,表明白菜栽培种内品种间的遗传基础相对较宽,存在较大的遗传变异性。利用UPGMA聚类分析表明:能将65个白菜地方品种划分为四大类。由ISSR标记聚类结果所表现出的大多种质之间的亲缘关系与其来源地有较大的相关性,但也有地理差别很大的白菜资源遗传关系较近的情况。本研究还表明,ISSR标记比RAPD标记具有更高的稳定性,在植物遗传多样性的分子标记或克隆研究中,可优先使用ISSR标记。

**关键词** [白菜](#) [遗传多样性](#) [亲缘关系](#) [ISSR](#)

分类号

**DOI:**

对应的英文版文章: [2009-0075](#)

通讯作者:

杜黎明 [duwf3@yahoo.com.cn](mailto:duwf3@yahoo.com.cn)

作者个人主页: 杜黎明;胡天华;包崇来;朱琴妹;胡海娇;毛伟海

#### 扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF](#) (821KB)

▶ [\[HTML全文\]](#) (OKB)

▶ [参考文献\[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

相关信息

▶ [本刊中包含“白菜”的相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

- [杜黎明](#)
- [胡天华](#)
- [包崇来](#)
- [朱琴妹](#)
- [胡海娇](#)
- [毛伟海](#)