

【作者】	阮先乐, 陈龙
【单位】	周口师范学院生命科学系, 河南周口
【卷号】	37
【发表年份】	2009
【发表刊期】	25
【发表页码】	11892-11894
【关键字】	马铃薯; SRAP; 反应体系; 优化
【摘要】	<p>[目的] 建立马铃薯大西洋SRAP PCR反应体系, 为今后的研究奠定基础。[方法] 以马铃薯大西洋基因组DNA为模板, 从Mg<sup>2+</sup>浓度、Taq 酶浓度、dNTPs浓度、引物浓度和模板DNA浓度5个方面对大西洋SRAP PCR反应体系进行优化。[结果] 适合大西洋的SRAP PCR反应体系为: 模板DNA 1.0 μl (50 ng/μl), Taq 酶1.7 μl (1 U/μl), 引物对1.5 μl (1 μmol/L) × 2, MgCl<sub>2</sub> 2.4 μl (25 mmol/L), dNTPs 0.6 μl (10 mmol/L), 10×Buffer 3.0 μl, ddH<sub>2</sub>O 18.3 μl, 总体积30 μl。[结论] 建立的SRAP PCR反应体系是稳定可靠的。</p>
【附件】	 PDF下载 <input type="button" value="PDF阅读器下载"/>

关闭