

无栏目

中国野生葡萄果实抗炭疽病基因的RAPD标记

王跃进 西北农林科技大学园艺学院

王跃进 西北农林科技大学园艺学院 杨凌712100

徐炎 西北农林科技大学园艺学院 杨凌712100

张剑侠 西北农林科技大学园艺学院 杨凌712100

周鹏 中国热带农业科学院热带作物生物技术国家重点实验室 海口571101¹

中国野生葡萄²

炭疽病³

抗病性⁴

RAPD⁵

以葡萄种间杂交组合 88 110 [毛葡萄 83 4 96 (♀)×欧洲葡萄粉红玫瑰]的F1群体为试材 ,运用RAPD技术 ,采用集群分离分析 (bulkedsegregantanalysis,BSA)法进行中国野生葡萄抗炭疽病基因连锁的分子标记研究。获得了与抗炭疽病基因相连锁的RAPD标记 :OPC15 130 0 ,并在 5 0株杂种后代、中国野生葡萄 8种 32个株系、14个欧洲葡萄品种中证明了该标记是可以遗传的。 2002⁶

35⁷

5⁸

83⁹

6¹⁰

88¹¹

2002-35-5-83-88¹²

不同花色牡丹品种亲缘关系的RAPD-PCR分析¹³

陈向明 合肥教育学院 合肥230001

郑国生 山东农业大学生命科学学院 泰安271018

孟丽 山东农业大学生命科学学院 泰安271018¹⁴

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 用RAPD PCR技术对 7个花色 35个牡丹品种进行基因组DNA多态性分析 ,34个随机引物扩增出 4 18个DNA片段 ,其中 337条谱带表现多态性 ,多态性检测率为 80 .6 % ,表明受试牡丹栽培品种之间富含遗传多态性 ,其中18个受试牡丹品种产生特异性遗传标记 ,这些特异标记对各个牡丹品种具有一定的鉴别价值。将扩增图谱利用UP GMA方法构建遗传聚类树状图 ,分析品种间遗传关系。相似系数 1.5将 35个牡丹品种划分为 2个遗传聚类组 ,相似系数 1.0将其划分为 4个遗传聚类组 ,不同相似系

关键词 [牡丹品种,亲缘关系,RAPD分析](#)

分类号 [77](#)

DOI:

通讯作者:

作者个人主页:

王跃进 西北农林科技大学园艺学院

扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF\(328KB\)](#)

▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)

▶ [参考文献\[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ [本刊中 包含“牡丹品种,亲缘关系,RAPD分析”的 相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

王跃进 西北农林科技大学园艺学院