

## 研究简报

### 蜡梅花cDNA文库构建及其高频出现脂转移蛋白cDNA的表达

眭顺照, 李名扬, 蒋安, 王洋, 秦华, 皮伟, 任琛

西南大学园艺园林学院, 西南大学花卉研究所<sup>1</sup>

收稿日期 2006-3-22 修回日期 网络版发布日期 2007-3-19 接受日期

**摘要** 【目的】构建蜡梅花cDNA文库, 分析蜡梅脂转移蛋白基因的表达, 为探索蜡梅冬季开花分子机理, 分离克隆特色基因奠定基础。【方法】以蜡梅花器官为材料, 用SMART cDNA Library Construction Kit 构建文库, RT-PCR分析基因表达。【结果】经测定原始文库滴度达到 $1.4 \times 10^6$  pfu/ml, 扩增总文库滴度约为 $1010$  pfu/ml, 重组率达到96%, 插入片段在0.5 kb 以上, 平均约1.1 kb, 通过PCR 检测, 从总文库中检测到了表达丰度不同的蜡梅PI、AP3和LTP基因的特异片段, 说明所构建的文库覆盖度高、代表性强, LTP基因具有内含子, 而总文库中扩增出的LTP基因不含内含子, 说明所构建的cDNA文库无基因组DNA污染, LTP基因在蜡梅开花各个时期均表现较高的转录水平, 与EST分析时高频率出现LTP序列的情况相符, 证实所构建的文库能够反映蜡梅开花过程基因表达的基本情况。【结论】已获得高质量的蜡梅花cDNA文库, 可以用于进一步的基因克隆或EST测序分析, 这是首次正式报道蜡梅cDNA文库的构建。LTP基因在蜡梅开花过程中可能具有重要的生物学功能, 为探索蜡梅冬季开花分子机理提供了线索。

**关键词** [蜡梅](#) [cDNA文库](#) [脂转移蛋白基因](#) [RT-PCR](#)

分类号

**DOI:**

通讯作者:

李名扬

作者个人主页: [眭顺照](#); [李名扬](#); [蒋安](#); [王洋](#); [秦华](#); [皮伟](#); [任琛](#)

## 扩展功能

### 本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF](#) (449KB)
- ▶ [\[HTML全文\]](#) (0KB)
- ▶ [参考文献\[PDF\]](#)
- ▶ [参考文献](#)

### 服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [引用本文](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

### 相关信息

- ▶ [本刊中 包含“蜡梅”的 相关文章](#)

### 本文作者相关文章

- [眭顺照](#)
- [李名扬](#)
- [蒋安](#)
- [王洋](#)
- [秦华](#)
- [皮伟](#)
- [任琛](#)