

无栏目

不同花色牡丹品种亲缘关系的RAPD-PCR分析

陈向明,郑国生,孟丽

合肥教育学院

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 用RAPD PCR技术对 7个花色 35个牡丹品种进行基因组DNA多态性分析,34个随机引物扩增出 4 18个DNA片段,其中 337条谱带表现多态性,多态性检测率为 80.6%,表明受试牡丹栽培品种之间富含遗传多态性,其中18个受试牡丹品种产生特异性遗传标记,这些特异标记对各个牡丹品种具有一定的鉴别价值。将扩增图谱利用UP GMA方法构建遗传聚类树状图,分析品种间遗传关系。相似系数 1.5将 35个牡丹品种划分为 2个遗传聚类组,相似系数 1.0将其划分为 4个遗传聚类组,不同相似系数的遗传聚类划分与花色之间并非完全未有相关性。来源相同花色一致的牡丹品种之间亲缘关系相对较近,但产地来源对牡丹品种的亲缘关系的影响比花色更为突出。

关键词 [牡丹品种](#) [亲缘关系](#) [RAPD分析](#)

分类号

DOI:

通讯作者:

作者个人主页: 陈向明;郑国生;孟丽

扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF\(336KB\)](#)

▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)

▶ [参考文献\[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

相关信息

▶ [本刊中包含“牡丹品种”的相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

· [陈向明](#)

· [郑国生](#)

· [孟丽](#)