

研究简报

万寿菊属品种资源遗传关系的ISSR分析

曾丽, 赵梁军, 孙佳, 赵子刚, 杨帆

(中国农业大学观赏园艺与园林系)

收稿日期 2009-4-20 修回日期 2009-7-1 网络版发布日期 2010-1-10 接受日期 2010-1-10

摘要

【目的】通过ISSR分子标记研究品种资源遗传关系, 探讨其种群遗传多样性水平和遗传结构, 为了解品种间遗传多样性、品种间亲缘关系、育种及科学合理保存和利用现有万寿菊属种质资源提供理论依据和技术支持。**【方法】**对29份万寿菊材料及2份孔雀草材料利用ISSR分子标记进行遗传关系分析。**【结果】**用11个引物对31份万寿菊属材料进行PCR扩增, 每个引物扩增的ISSR条带数在5—11条, 平均每条引物能扩增出6.8条带, 多态位点百分率为40%—100%。聚类分析结果表明, ISSR分类结果与传统分类的结果基本一致, 31份材料按照万寿菊及孔雀草分为两大类, 并且同系列万寿菊品种被划为同一亚组。**【结论】**利用ISSR标记技术可较准确分析万寿菊属材料间的亲缘关系及遗传多样性。

关键词 [万寿菊属](#) [ISSR](#) [品种资源](#) [遗传关系](#)

分类号

DOI:

通讯作者:

赵梁军 zhaolj5073@163.com

作者个人主页:

曾丽; 赵梁军; 孙佳; 赵子刚; 杨帆

扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF](#) (356KB)

▶ [\[HTML全文\]](#) (0KB)

▶ [参考文献\[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

相关信息

▶ [本刊中 包含“万寿菊属”的 相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

· [曾丽, 赵梁军, 孙佳, 赵子刚, 杨帆](#)