

园艺

不同蔬菜连作对土壤细菌DNA分子水平多态性影响的研究

雷娟利,周艳虹,丁 桔,王 礼,喻景权

收稿日期 2005-5-11 修回日期 网络版发布日期 接受日期

**摘要** 采用从土壤中直接提取微生物总DNA,并用细菌16S rDNA特异性引物进行PCR扩增、变性梯度凝胶电泳(DGGE)、克隆和测序等一系列分子生物学手段,研究了不同蔬菜连作对土壤中细菌群落结构的影响。结果表明,采自同一地区的土壤样品,其DGGE图谱的相似性很高;同时蔬菜连作对土壤中细菌的群落组成产生影响,这种影响同蔬菜作物种类和连作年限有关。研究结果还表明,所取土样中的细菌大多数为Proteobacteria类细菌,另外Acidobacteria、Sphingobacteria和Actinobacteria类细菌只占少量比例。

**关键词** [蔬菜](#) [连作土壤](#) [细菌](#) [16S rDNA](#) [PCR-DGGE](#)

分类号

**DOI:**

通讯作者:

作者个人主页: 雷娟利;周艳虹;丁 桔;王 礼;喻景权

## 扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF\(464KB\)](#)

▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)

▶ [参考文献\[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ [本刊中 包含“蔬菜”的 相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

· [雷娟利](#)

· [周艳虹](#)

· [丁 桔](#)

· [王 礼](#)

· [喻景权](#)