

植物保护

稻飞虱基因组DNA提取方法的比较

刘佳妮¹, 桂富荣¹, 李正跃¹, 沈文武²

1 农业生物多样性与病虫害控制教育部重点实验室, 生物多样性研究与应用技术国家工程中心, 云南农业大学植物保护学院, 云南 昆明 650201; 2 云南省建水县植保植检站, 云南 建水 654300

收稿日期 2007-11-20 修回日期 2007-12-21 网络版发布日期 接受日期

摘要 以褐飞虱 (*Nilaparvata lugens* Stal) 为材料, 分别采用SDS法, CTAB法, 冰KAc法和饱和NaCl法提取褐飞虱的基因组DNA。通过电泳、紫外光谱分析和ISSR-PCR扩增等检测手段, 比较分析了DNA数量与质量。结果表明: CTAB法和SDS法提取的DNA质量明显优于冰KAc法和饱和NaCl法, 适于PCR扩增。并且SDS法提取的DNA经过PCR扩增后得到较多的多态性位点。因此, SDS法是实验室提取稻飞虱基因组有效, 经济实用的方法。

关键词 [基因组DNA](#); [DNA提取](#); [稻飞虱](#)

分类号 [S 435.112.3](#)

DOI:

通讯作者:

李正跃 lizhengyue@vip.km169.net

作者个人主页: 刘佳妮¹; 桂富荣¹; 李正跃¹; 沈文武²

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF \(849KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\] \(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献 \[PDF\]](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [引用本文](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

- ▶ [本刊中 包含“基因组DNA; DNA提取; 稻飞虱”的 相关文章](#)
- ▶ [本文作者相关文章](#)

- [刘佳妮](#)
- [桂富荣](#)
- [李正跃](#)
- [沈文武](#)